

## POLIMORFISMO C677T DEL GENE MTHFR

## **CATALOGO**

REF: GEN-003-25 Codice RDM: 1718916/R Test: 25 Reazioni: 31 REF: GEN-003-50 Codice RDM: 2255479 /R Test: 50 Reazioni: 62 Codice CND: W0106010499 Produttore: BioMol Laboratories s.r.l.

## CONTENUTO DEL KIT

Il kit è composto da: reagenti per la amplificazione in Real-Time PCR \*non forniti nel kit i reagenti per la estrazione di DNA genomico.

### INFORMAZIONI SUI PRODOTTO

Dispositivo appartenente alla famiglia di dispositivi medici in vitro **REAL-TIME PCR QUALITATIVA-VARIANTI GENETICHE.**Determinazione del polimorfismo C677T del gene MTHFR mediante tecnica Real-Time PCR.
Kit ottimizzato per strumentazione Real-Time PCR Biorad CFX96 Dx, Biorad Opus Dx, Agilent AriaDx, Hyris bCUBE e Hyris bCUBE3 con Hyris bAPP.

## **BASI SCIENTIFICHE**

Il gene dell'enzima MTHFR (5,10-metilenetetraidrofolato reduttasi) si trova all'estremità del braccio corto del cromosoma 1 (1p36.3). La sequenza del DNA del gene è di circa 2,2 kilobasi (kb), che comprende 11 esoni. Per il gene MTHFR sono stati descritti dettagliatamente due polimorfismi: C677T (rs1801133) e A1298C (rs1801131). Il polimorfismo C677T è localizzato nell'esone 4 e risulta in una conversione di alanina in valina al codone 222 (A222V) in una regione proteica che è il sito di legame per il cofattore di MTHFR, la flavina adenina dinucleotide (FAD). È riportato in letteratura che il genotipo MTHFR 677T diminuisca del 30% l'attività dell'enzima MTHFR in vitro rispetto al tipo wild-type.

Il folato è uno dei substrati precursori più importanti per il metabolismo cellulare. Uno dei compiti del folato è quello di fungere da vettore di singoli frammenti di carbonio. Questa reazione è richiesta per la sintesi di purine-pirimidine, DNA, RNA e metilazione proteica. Ricerche precedenti hanno dimostrato che bassi livelli di folato determinano la disincorporazione dell'uracile durante la replicazione del DNA, che causa l'aumento delle rotture del doppio filamento durante la riparazione dell'escissione del residuo di uracile.

## SIGNIFICATO CLINICO

Il secondo polimorfismo del gene MTHFR è A1298C, localizzato nell'esone 7 e risultante in una sostituzione di un residuo di ac. glutammico in alanina nel codone 429 (E429A). Questo polimorfismo si trova nel dominio regolatorio dell'enzima S-adenosyle metionina (SAM) e provoca cambiamenti conformazionali all'interno dell'enzima MTHFR che ne alterano l'attività enzimatica. La carenza di folato, quindi, è stata anche associata ad un aumentato rischio per un certo numero di tumori e altri rischi di malattia quali malattie cardiovascolari, diabete, difetti alla nascita, ischemia, trombosi venosa, ipotonia, leucemia, emicrania, schizofrenia, depressione, preeclampsia, malattia di Alzheimer, difetti congeniti del cuore, sindrome di Down e palatoschisi.

§ Two Common MTHFR Gene Polymorphisms (C677T and A1298C) and Fetal Congenital Heart Disease Risk: An Updated Meta-Analysis with Trial Sequential Analysis. Cell Physiol Biochem. 2018 Mar 15;45(6):2483-2496.

§ The methylenetetrahydrofolate reductase 6777-1298C haplotype is a risk factor for acute lymphoblastic leukemia in children. Medicine (Baltimore). 2017 Dec;96(51):e9290. § Folate metabolism genetic polymorphisms and meningioma and glioma susceptibility in adults. Oncotarget. 2017 Jul 4:8(34):57265-57277.





ISO 9001:2015 ISO 13485:2016





# POLIMORFISMO C677T DEL GENE MTHFR

## **CATALOGO**

REF: GEN-003-25 Codice RDM: 1718916/R Test: 25 Reazioni: 31 REF: GEN-003-50 Codice RDM: 2255479/R Test: 50 Reazioni: 62 Codice CND: W0106010499 Produttore: BioMol Laboratories s.r.l.

#### CONTENILITO DEL KIT

Il kit è composto da: reagenti per la amplificazione in Real-Time PCR \* non forniti nel kit i reagenti per la estrazione di DNA genomico.

### CONTENUTO DEL KIJ

DESCRIZIONE	ETICHETTA	VOLUME		CONSERVAZIONE
		GEN-003-25	GEN-003-50	
Mix oligonucleotidi e sonde	Mix C677T MTHFR 10X	1 x 85 µl	1 x 170 µl	-20°C
Mix buffer ed enzima Taq polymerase	Mix Real-Time PCR 2X	1 x 425 µl	1 x 850 μl	-20°C
H₂O deionizzata	H <sub>2</sub> O deionizzata	2 x 1 ml	2 x 1 ml	-20°C
DNA genomico o DNA ricombinante	Control +1	1 x 22µl	1 x 22 µl	-20°C
DNA genomico o DNA ricombinante	Control +2	1 x 22 µl	1 x 22 µl	-20°C
DNA genomico o DNA ricombinante	Control +3	1 x 22 µl	1 x 22 µl	-20°C

## CARATTERISTICHE TECNICHE

## COD. GEN-003-25 / COD. GEN-003-50

STABILITÀ	18 mesi
STATO DEI REAGENTI	Pronti all'uso
MATRICE BIOLOGICA	DNA genomico estratto da sangue intero, da tessuto, da cellule
CONTROLLO POSITIVO	DNA ricombinante per almeno 3 sedute analitiche
STRUMENTI PCR REAL TIME VALIDATI	Biorad CFX96 Dx, Biorad Opus Dx, Agilent AriaDx, Hyris bCUBE e Hyris bCUBE3 con Hyris bAPP.
TECNOLOGIA	Real-time PCR; oligonucleotidi e sonde specifiche; 2 canali di fluorescenza FAM/HEX
TEMPO DI ESECUZIONE	85 min
PROFILO TERMICO	1 ciclo a 95 °C (10 min); 45 cicli a 95 °C (15 sec) + 60 °C (60 sec)
SPECIFICITÀ ANALITICA	Assenza di appaiamenti aspecifici di oligonucleotidi e sonde; assenza di cross-reattività
SENSIBILITÀ ANALITICA: LIMIT OF DETECTION (LOD)	≥ 0,016 ng di DNA
SENSIBILITÀ ANALITICA: LIMIT OF BLANK (LOB)	0% NCN
RIPRODUCIBILITÀ	99,9%
SPECIFICITÀ DIAGNOSTICA/SENSIBILITÀ DIAGNOSTICA	100%/98%



